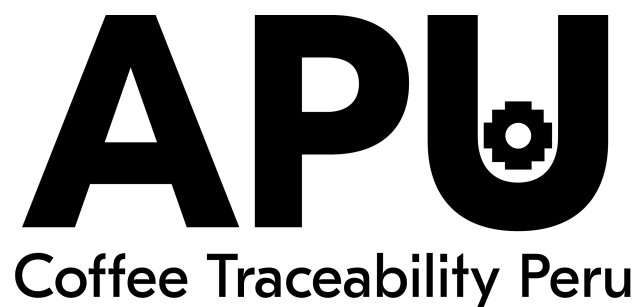


PROYECTO DE ORIGEN DE DENOMINACIÓN INKAWASI



INFORME DE ANÁLISIS GENÉTICO DE GEISHA INKA Y AMERICANO



Análisis genético proporcionado por RD2 Vision/Christophe Montagnon

Documento redactado y compilado por Apu Coffee Perú



Este informe forma parte del proyecto de Denominación de Origen Incahuasi, gestionado por Apu Coffee Perú en colaboración con la Cooperativa Agraria Cafetalera Valle de Incahuasi. Se centra en dos variedades de café endémicas del distrito de Inkawasi:

- a) variedad Geisha Inka, como se la conoce comúnmente
- b) variedad híbrida Americano

Con la ayuda de Christophe Montagnon de RD2 Vision en Montpellier, Francia, pudimos analizar muchas más muestras de cada una de estas variedades endémicas. Los resultados muestran un historial de selección selectiva de semillas transmitidas de productor a productor, lo que permite una población de variedades cultivadas que no es completamente uniforme. Además, se analizaron algunas diferencias notables dentro de los grupos de variedades, seleccionadas de varios sectores del distrito de Inkawasi:

Acconcharcas, Hatumpampa, Amaybamba, Pacaybamba y San Fernando.

Los resultados exponen la rica diversidad de variedades de café, hasta el día de hoy exclusivos del distrito de Inkawasi. También evidencian la necesidad de profundizar en el análisis de otras variedades para comprender mejor su origen; y reconstruir la historia del cultivo del café, siempre ligada al uso de Ayni, en este singular distrito.

Este informe comienza con el análisis del laboratorio RD2 Vision de Christophe Montagnon, en el cual se muestran los resultados de 12 muestras tomadas de la cosecha temprana de Inkawasi 2025. 2 de las 12 muestras no fueron aptas para el análisis.

Presentamos este análisis sin editar: contiene todos los datos brutos obtenidos de los alelos, así como una interpretación de su significado y su relación con otros grupos de variedades reconocidas. La segunda parte del informe consta de un análisis de Rubén Romero y Justin Miles que explica los antecedentes del estudio de Christophe Montagnon, y define el significado de sus interpretaciones en un contexto más amplio:

- por qué los resultados podrían no coincidir con las interpretaciones previas
- qué es una población de variedades
- qué implica esto para el distrito, y la historia de la migración del café desde Etiopía.

Apu Coffee Perú quiere agradecer la participación de los productores de la Cooperativa Incahuasi, sin su profesionalismo, profundamente marcado por la preservación del sistema tradicional de Ayni, es poco probable que tuviéramos los resultados de estas increíbles variedades.

Igualmente, Apu agradece a Onoma y Coffee Collective por su apoyo visionario, permitiendo el reconocimiento a los productores de Inkawasi.



Coffee DNA Fingerprinting report for Incahuasi

Dr Christophe Montagnon

Content

[Description of samples and raw data](#)

[Analysis and interpretations](#)

[General information on Arabica varieties \(support to understand interpretation\)](#)



INCA01- (G.I.)
Abel Candia



INCA02- (Am.)
Abel Candia



INCA03 - (Am.)
Jhenrry Chávez



INCA04- (G.I.)
Jhenrry Chávez



INCA05 - (G.I.)
Julian Vilchez



INCA06 - (G.I.)
Julian Vilchez



INCA08 - (G.I.)
Julio Chávez



INCA09 - (G.I.?)
Eulogio Chipao



INCA11 - (Am.)
Julian Muriel



INCA12 - (G.I.)
Julien Muriel

August 13th 2026

APU
Coffee Traceability Peru

incahuasi
Café que trasciende

COFFEE COLLECTIVE

onoma
kaffee

RD2
vision

Description of samples and raw data

Ruben Romero sent to RD2 Vision 12 leaf samples from "Incahuasi" members.

RD2 Vision labelled the leaves INCA1 to INCA12 based on the numbers on the envelopes. From the handwritten descriptions on the envelopes, RD2 Vision could draw the table below.

The leaves arrived brown with mould (see picture). However, DNA of the required quality could not be extracted from only two samples (INCA7 and INCA10).

Adnid, RD2 Vision's partner lab in France, extracted the DNA from the samples and produced the below raw matrix (next slide) of alleles for 11 SSR.

RD2 interpreted the results.



Code RD2 Vision	Information client	
INCA1	SL-09 / Geisha Inca	Abel Candia
INCA2	Americano Regular	Abel Candia
INCA3	Americano Haturpampa	Jhenrry Chavez
INCA4	SL-09 / Geisha Inca	Jhenrry Chavez
INCA5	SL-09 / Geisha Inca Normal	Julian Vilchez
INCA6	Pepohnia (Ethiopia) / SL09 ?	Julian Vilchez
INCA7	Geisha "Panama"	Julio Chavez
INCA8	Geisha Inca - SL09	Julio Chavez
INCA9	Geisha Inca / SL-09 Small leaves	Eulogio Chipao
INCA10	Geisha Inca Normal SL09	Eulogio Chipao
INCA11	Americano Long leaves	Julian Muriel Palomino
INCA12	Geisha Etiope - SL09?	Julian Muriel Palomino

				1-Sat11	2-CBD-Sat207	3-Sat225	4-Sat235	5-Sat24	6-Sat244	7-Sat254	8-Sat29	9-Sat32	10-Sat41	11-Sat47													
Code ADNid	Code RD2 Vision	Information client	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 3	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 3	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2			
CO260385	INCA1	SL-09 / Geisha Inca	Abel Candia	145	145	83	93	-	-	257	257	173	173	278	306	202	202	119	135	105	129	160	160	117	150		
CO260388	INCA4	SL-09 / Geisha Inca	Jhenrry Chavez	145	145	83	93	265	296	298	257	257	163	163	278	306	202	202	119	135	105	129	150	150	117	150	
CO260389	INCA5	SL-09 / Geisha Inca Normal	Julian Vilchez	145	145	83	93	265	298		257	257	160	173	278	306		202	202	119	135	105	129	160	160	117	150
CO260390	INCA6	Pepohnia (Ethiopia) / SL09 ?	Julian Vilchez	145	145	83	93	265	298		257	257	163	173	278	302	306	202	202	119	135	105	129	150	160	117	150
CO260392	INCA8	Geisha Inca - SL09	Julio Chavez	145	145	83	93	265	296		257	257	163	173	278	306		202	202	119	135	105	129	150	160	117	150
CO260396	INCA12	Geisha Etiope - SL09?	Julian Muriel Palomino	145	145	83	93	265	298		257	257	153	163	278	306		218	218	119	133	105	137	138	150	117	150
CO260393	INCA9	Geisha Inca / SL-09 Small leaves	Eulogio Chipao	145	145	83	93	269	298		255	255	163	173	278	306		202	202	119	135	105	139	160	160	117	150
CO260386	INCA2	Americano Regular	Abel Candia	143	143	83	93	298	298		257	257	148	148	278	304		202	202	119	133	105	111	134	134	117	150
CO260387	INCA3	Americano Haturpampa	Jhenrry Chavez	143	143	83	93	265	298		257	257	148	148	278	306		202	202	119	133	105	111	134	134	117	150
CO260395	INCA11	Americano Long leaves	Julian Muriel Palomino	143	143	83	93	298	298		257	257	148	163	278	306		216	216	119	133	105	111	150	150	117	150
CO260391	INCA7	Geisha "Panama"	Julio Chavez	No DNA of requested quality																							
CO260394	INCA10	Geisha Inca Normal SL09	Eulogio Chipao	No DNA of requested quality																							

1-Sat11		2-CBD-Sat207		3-Sat225			4-Sat235		5-Sat24		6-Sat244			7-Sat254		8-Sat29		9-Sat32		10-Sat41		11-Sat47	
Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 3	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 3	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2
145	145	83	93				257	257	173	173	278	306		202	202	119	135	105	129	160	160	117	150
145	145	83	93	265	296	298	257	257	163	163	278	306		202	202	119	135	105	129	150	150	117	150
145	145	83	93	265	298		257	257	160	173	278	306		202	202	119	135	105	129	160	160	117	150
145	145	83	93	265	298		257	257	163	173	278	302	306	202	202	119	135	105	129	150	160	117	150
145	145	83	93	265	296		257	257	163	173	278	306		202	202	119	135	105	129	150	160	117	150
145	145	83	93	265	298		257	257	153	163	278	306		218	218	119	133	105	137	138	150	117	150
145	145	83	93	269	298		255	255	163	173	278	306		202	202	119	135	105	139	160	160	117	150
143	143	83	93	298	298		257	257	148	148	278	304		202	202	119	133	105	111	134	134	117	150
143	143	83	93	265	298		257	257	148	148	278	306		202	202	119	133	105	111	134	134	117	150
143	143	83	93	298	298		257	257	148	163	278	306		216	216	119	133	105	111	150	150	117	150
No DNA of requested quality																							

*Detail of above table

For each sample, the alleles – coded as number – of 11 markers were observed. Colors have no meaning apart from visually differentiating alleles for each marker. "-" means the alleles were not readable

Code	Label	Short label	Results	Comments
CO260385	INCA1	SL-09 / Geisha Inca	Geisha × Bourbon derived population	The genetic profiles of these six samples are compatible with a population derived from crosses between the original Geisha (T.02722 Catie reference) and a Bourbon genetic background. The Bourbon genetic background might have been provided by any of the following cultivars: Bourbon, Caturra or Catuai.
CO260388	INCA4	SL-09 / Geisha Inca		
CO260389	INCA5	SL-09 / Geisha Inca Normal		
CO260390	INCA6	Pepohnia (Ethiopia) / SL09 ?		
CO260392	INCA8	Geisha Inca - SL09		
CO260396	INCA12	Geisha Etiopie - SL09?		
CO260393	INCA9	Geisha Inca / SL-09 Small leaves	Ethiopian landrace × Bourbon derived population	The genetic profile is compatible with a tree derived from a cross between an Ethiopian landrace and a Bourbon genetic background. However, the Ethiopian landrace here is not Geisha (T.02722 Catie reference). The Bourbon genetic background might have been provided by any of the following cultivars: Bourbon, Caturra or Catuai.
CO260386	INCA2	Americano Regular	Catimor	These two samples are genetically close and correspond to a Catimor. They do not match any known Catimor cultivar in the RD2 Vision database.
CO260387	INCA3	Americano Haturpampa		They are not the same Catimor as INCA11
CO260395	INCA11	Americano Long leaves	Catimor	This sample corresponds to a Catimor. It does not match any known Catimor cultivar in the RD2 Vision database. It is not the same Catimor as INCA 2 or INCA3

1-Sat11		2-CBD-Sat207		3-Sat225		4-Sat235		5-Sat24		6-Sat244		7-Sat254		8-Sat29		9-Sat32		10-Sat41		11-Sat47	
Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2	Allele 1	Allele 2
145	145	83	93	-	-	-	-	257	257	173	173	278	306	-	-	202	202	119	135	105	129
145	145	83	93	265	296	298	257	257	163	163	278	306	-	202	202	119	135	105	129	160	160
145	145	83	93	265	298	-	257	257	160	173	278	306	-	202	202	119	135	105	129	160	160
145	145	83	93	265	298	-	257	257	163	173	278	302	306	202	202	119	135	105	129	150	160
145	145	83	93	265	296	-	257	257	163	173	278	306	-	202	202	119	135	105	129	150	160
145	145	83	93	265	298	-	257	257	153	163	278	306	-	218	218	119	133	105	137	138	150
145	145	83	93	269	298	-	255	255	163	173	278	306	-	202	202	119	135	105	139	160	160
143	143	83	93	298	298	-	257	257	148	148	278	304	-	202	202	119	133	105	111	134	134
143	143	83	93	265	298	-	257	257	148	148	278	306	-	202	202	119	133	105	111	134	134
143	143	83	93	298	298	-	257	257	148	163	278	306	-	216	216	119	133	105	111	150	150
No DNA of requested quality																					

*Detail of above table

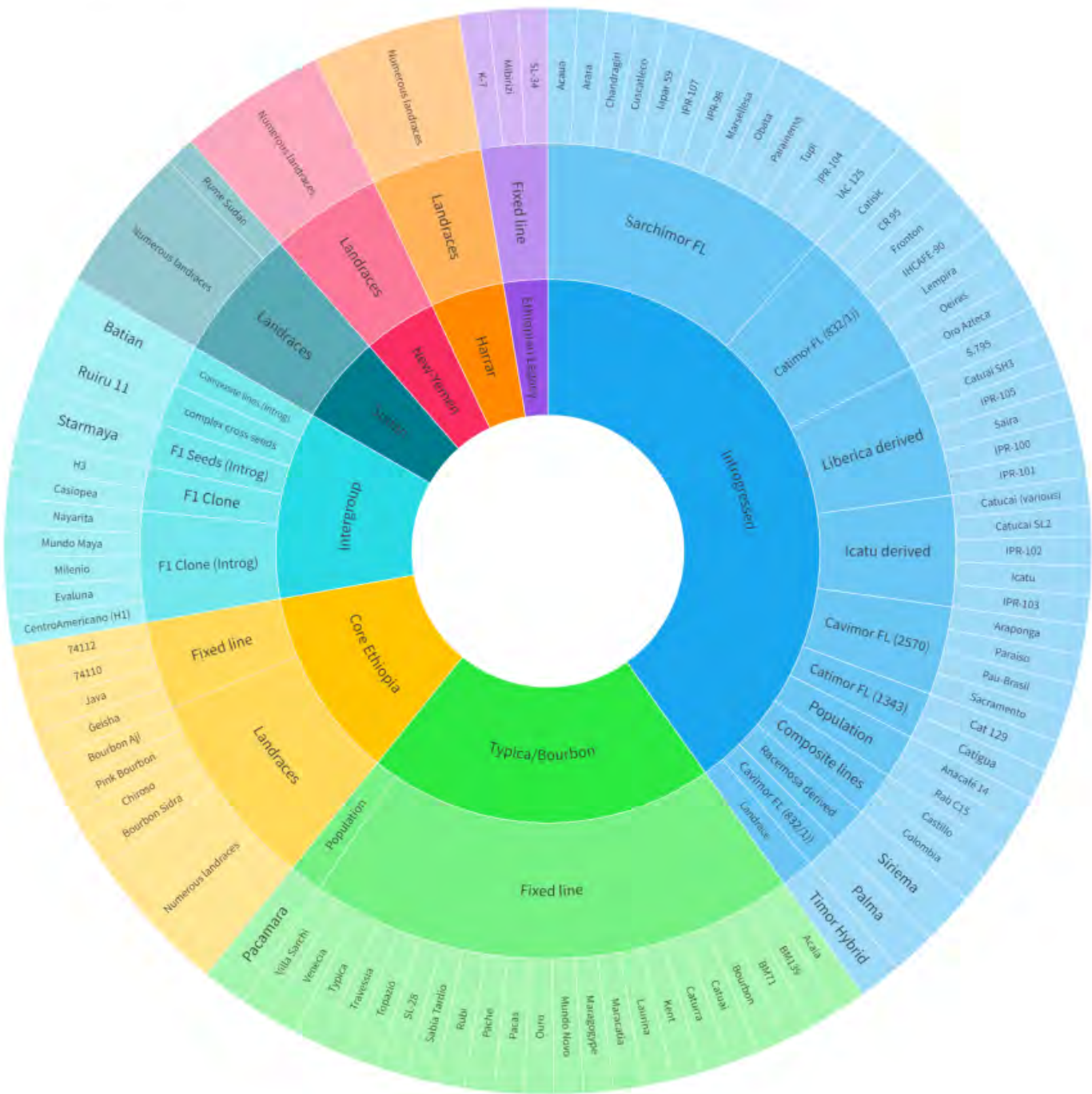
For each sample, the alleles – coded as number – of 11 markers were observed. Colors have no meaning apart from visually differentiating alleles for each marker. “-” means the alleles were not readable

The Arabica Coffee Cultivars Wheel®

Dr Ch. Montagnon - RD2 Vision



0-All



Source: Montagnon, C., Sheibani, F., Benti, T., Daniel, D., & Bote, A. D. (2022). Deciphering early movements and domestication of *Coffea arabica* through a comprehensive genetic diversity study covering Ethiopia and Yemen. *Agronomy*, 12(12), 3203, RD2 Vision coffee genetics • INNER CIRCLE: represents the main *Coffea arabica* genetic groups based on the current state of science: 'Sudan', 'Core Ethiopia', 'Ethiopian Legacy', 'Bourbon/Typica', 'Harar' and 'New Yemen'. Introgressed' includes varieties derived from an interspecific cross between *C. arabica* and another species (mainly *C. canephora*, but also *C. liberica* or *C. racemosa*). Intergroup': represents varieties derived from a cross between the previous groups. MID CIRCLE : Indicates the type of varieties : Fixed Line (FL), Population, Composite, Landrace. For Introgressed, the genetic category is indicated when known (Sarchimor, Catimor, Cavimor...). See "Source: RD2 Vision coffee genetics" for details. OUTER CIRCLE: gives the name of the cultivars.



<https://rd2vision.com/the-arabica-coffee-cultivars-wheel/>

August 13th 2026

APU
Coffee Traceability Peru

incas
Café que trasciende

COFFEE COLLECTIVE

onoma
kaffee

RD2
vision

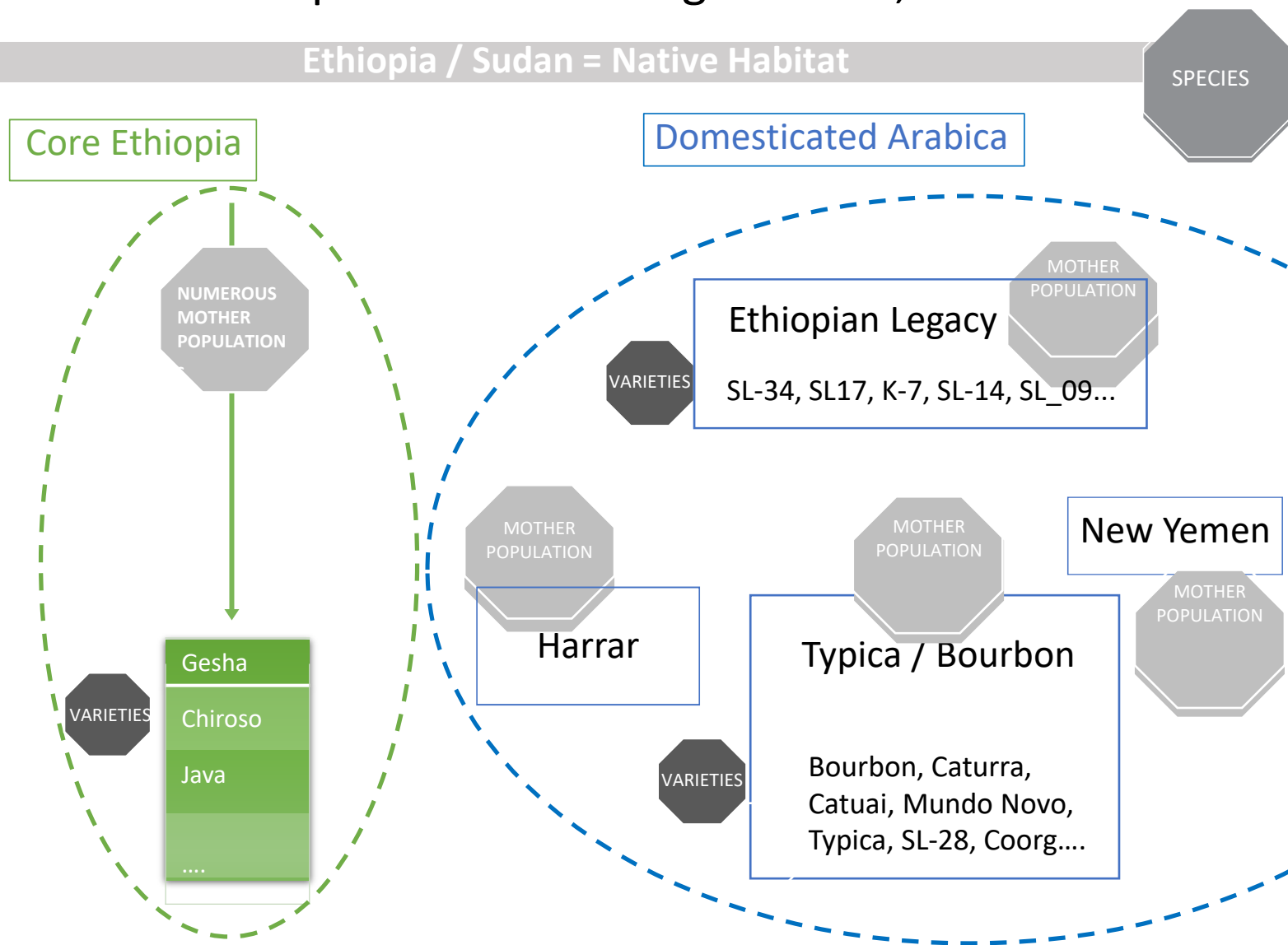
General information on Arabica varieties (support to understand interpretation)

Here we give an overview of the main big families of Arabica varieties

- [Traditional Arabica varieties](#)
- [Introgressed varieties \(Catimors, Sarchimors...\)](#)
 - [F1 hybrids](#)

We also try to help you understand why sometimes the results is not the one you expected ([here](#)).

Synthetic view of main genetic groups of C. arabica Adapted from Montagnon et al, 2022



This part of "General information on Arabica varieties (Support to understand interpretation)", including this page and the next 4 pages, is a work licensed under the Creative Commons Attribution-NonCommercial-NoDerivatives 4.0 International License. To view a copy of this license, visit <http://creativecommons.org/licenses/by-nc-nd/4.0/> or send a letter to Creative Commons, PO Box 1866, Mountain View, CA 94042, USA.

Introgressed varieties: Catimors, Sarchimors and more...

Breeders call “Introgression” the fact to bring few genes from a species into another one. The resulting varieties are called **Introgressed varieties**.

Natural interspecific (Robusta x Arabica) crosses were found during early 20th century in Timor Island = **Timor Hybrids**

Other main known Interspecific crosses (Robusta x Arabica) are:

- Natural = **Devamachy** from India
- Made by breeders: **Icatu** (Brazil), **Arabusta** (Côte d’Ivoire)

Breeders have crossed some [traditional arabica](#) lines with some Timor Hybrids or Icatu.

The table gives the origin of some renown varieties. Varieties in a cell are originating from a cross between the interspecific parent in column and the traditional variety(ies) in row.

	TH 832/1	TH 832/2	TH 1343	Various TH	Icatu
Caturra	Mostly Central American Catimors: CR95, Lempira....		Mostly Colombian Catimors: Variedad Colombia, Castillo...		
Villa Sarchi		Sarchimors: Obata, Marsellesa, Parainema...			
Catuai				Mostly Brazilian varieties (sometimes called Cavimors): Catigua, Paraiso...	Catucai
Mundo Novo		Acaua			Various generations of Icatu
Indian and East/Central African varieties				Kenya: Batian India: Various Sln populations such as Sln5, Sln6 Rwanda: Rabc15	

Few varieties have been introgressed with species different from canephora: Liberica giving **S795** (India) or Racemosa giving **Aramosa** (Brazil)

F1 hybrids

A F1 hybrid is the result of a cross between two genetically distant parents

A F1 hybrid is performing better than any of the parent. Breeders call this: Hybrid vigor or heterosis

In coffee the genetic distance is found between

- [Ethiopian landraces](#), (columns of below table) AND
- [Traditional](#) or [Introgressed varieties](#) (rows of below table)

	Ethiopian landrace	Parent originating from multiple crosses involving Indian/Central and East African varieties
Caturra	Central America: Cassiopea (=H8)	
Introgressed	Central America: CentroAmericano (=H1), Milenio (=H10) , Mundo Maya, MundoMex, Starmaya...	Kenya: Ruiru 11 Tanzania: Compact hybrids

Why Genetic fingerprinting might not identify the variety you expected

- What is important is the source that was used to plant the plot that you think is of a given variety
- The main sources of genetic non conformity are the following:
 - If the variety **has nothing to do** with what you expected:
 - The source of the planting material was not correct because of:
 - Human error or mislabeling from your provider
 - Often, a name will be given just because it “looks” like a supposed variety (say Geisha) but in fact is very different genetically
 - The source of the planting material was correct but there was a human error / mislabeling in your own nursery
 - The variety is **genetically related** to what you expected but not pure
 - The main and often only reason for that is that the seeds were taken in plot of the expected variety but with neighboring plots of different variety(ies). Then, the pollen of the neighboring varieties was transported (wind, insects...) on the flowers of your expected variety. Then, you have uncontrolled crosses and your variety is losing its purity
 - The more generations of replanting from seeds being “contaminated” by neighboring varieties, the more “diluted” is the original variety.

RD2 Vision advises to source planting material from genetically verified sources.

PARTE 2

Resumen del análisis conjunto

GEISHA INKA - 7 muestras

Este es el primer análisis de varias muestras de la variedad “Geisha Inka” de Incahuasi, que proporciona un análisis mucho más claro que análisis similares realizados anteriormente. Este grupo de muestras revela un patrón genético más definido de Geisha Inka.

Es evidente que se trata de una “población” de variedades de café derivadas de la Geisha T.02722 original (el código certificado en la Colección Catie) y una variedad Bourbon, que también podría ser Caturra o Catuai. Es importante utilizar el término “población” ya que estas muestras de Geisha Inka no son genéticamente uniformes, aunque seis de las siete muestran un patrón de ascendencia consistente y estrechamente relacionado. Sin embargo, se consideran homogéneas debido a su ascendencia similar. También es interesante señalar que una “población” de café es más resistente a las enfermedades que una variedad única.

1) NCA9 de Eulogio Chipao (Finca No Me Olvides, Paccaybamba)



una de las siete muestras que no se ajusta a la población de Geisha Inka específicamente porque no muestra rastro genético de la variedad Geisha T.02722.

2) La muestra de Eulogio Chipao puede considerarse diferente de las demás. Si bien también es consistente con una ascendencia que incluye a Bourbon y una variedad autóctona etíope, esta última no corresponde a Geisha T.02722, sino a otra variedad autóctona etíope aún no identificada. Por lo tanto, debe considerarse genéticamente distinta de las otras seis muestras.

La asociación previa de Geisha Inka con SL-09 surgió de la interpretación de un número muy limitado de muestras. Sus perfiles genéticos combinaban alelos asociados con orígenes etíopes y relacionados con Typica/Bourbon, produciendo un patrón que recuerda al grupo genético Ethiopian Legacy, al que pertenece SL-09.

Ahora, con varias muestras adicionales disponibles, emerge una imagen diferente.

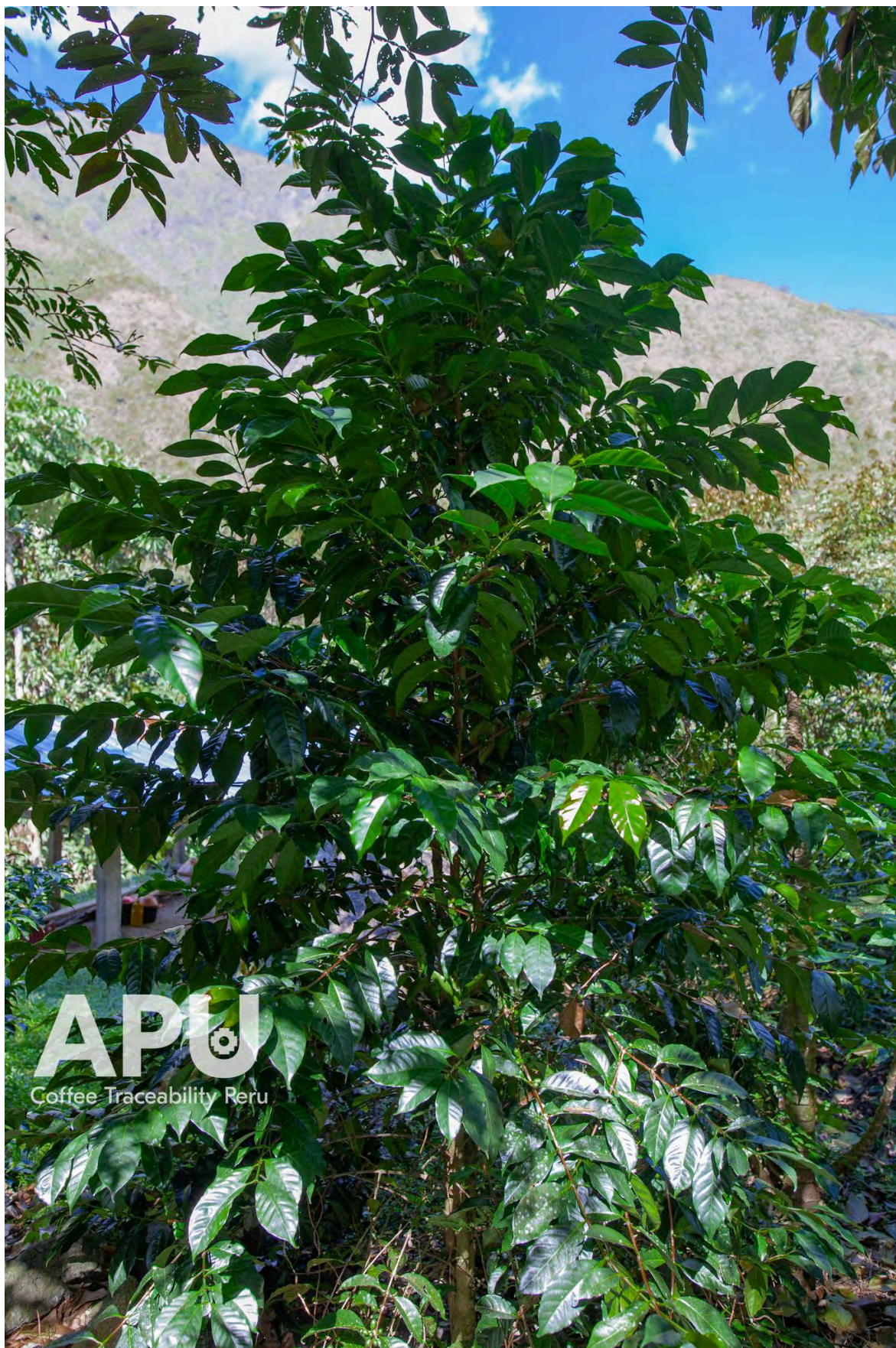
La interpretación más probable es que la población principal de Geisha Inka sea el resultado de cruces relativamente recientes que involucran a Geisha T.02722 y material relacionado con Bourbon.



Julio Chávez recolectando muestras en Amaybamba

Nuevo cultivo de Geisha Inka en Pacaybamba





Una planta sana de Geisha Inka en la finca de Abel Candia en Acconcharcas



Notas sobre la migración de grupos genéticos de Arábica desde Etiopía:

1. En su artículo de 2022, Montagnon y sus coautores describen varios grupos genéticos importantes del café arábica (véase también la rueda de variedades de arábica):

- 1 grupo genético autóctono denominado «Core Ethiopia»
- 2 principales grupos genéticos domesticados; a) Typica/Bourbon, al que pertenecen Typica, Bourbon, SL-28 y muchas variedades domesticadas b) Nuevo Yemen, también conocido como Yemenia, que nunca salió de Yemen.

También describieron el grupo «Ethiopian Legacy», que es el único que incluye cafetos que se encuentran tanto en Etiopía (concretamente en la región de Sidama) como en Yemen. Las pruebas genéticas sugieren que este grupo podría corresponder a material de café trasladado a través de migraciones entre la parte oriental del Valle del Rift en Etiopía y Yemen hace unos 500 años.

Del grupo «Ethiopian Legacy» que llegó al sur de Yemen, los análisis genéticos sugieren además que de él se derivaron posteriormente tanto el grupo genético Typica/Bourbon como el de Nuevo Yemen: el primero en el sur de Yemen, cerca de los puertos de Mokka y Adén, desde donde se extendió por todo el mundo; el segundo en el norte de Yemen, donde permaneció desconocido hasta su

descubrimiento por Montagnon y sus coautores en 2020.

2. Aunque son originarias de Etiopía, Geisha y otras variedades autóctonas etíopes, como Sidra o Chiroso, no tomaron el «‘Ethiopian Legacy train» hacia Yemen hace 500 años; apenas se convirtieron en café de cultivo a gran escala mucho más recientemente. La variedad Geisha, en particular, siguió una vía rápida a mediados del siglo XX a través de Kenia y Tanzania hasta llegar a Costa Rica (CATIE), donde se conservó el acceso T.02722, que más tarde se convirtió en la referencia para la variedad hoy ampliamente conocido como Geisha.

En conclusión, se considera que Geisha Inka no posee la herencia SL-09. Seis de las siete muestras de Geisha Inca forman una población genéticamente relacionada que muestra un patrón de ascendencia consistente que involucra a Geisha T.02722 (una variedad autóctona etíope) y variedades Bourbon o similares, como Caturra o Catuai. La interpretación más probable es que esta población derive de cruces entre estos dos fondos genéticos.



Notas sobre la variación entre las muestras de Geisha Inca:

1. En el caso de Eulogio Chipao INCA9; la ascendencia etíope parece corresponder a otra raza autóctona etíope, distinta de la Geisha. Por lo tanto, puede considerarse una variante diferente del material actualmente denominado «Geisha Inka», ya que comparte una ascendencia similar a la de los Borbones, pero sin evidencia de ascendencia Geisha T.02722. Se deberían analizar más muestras para determinar si esto representa otro componente genético entre el material conocido localmente como «Geisha Inka» en la finca de Eulogio o en fincas vecinas.



Detalle de la estructura de la hoja de la variedad INCA9, que se observa que es diferente a la de otras muestras de Geisha Inka

Detalle de INCA9, parte superior de la planta



Eulogio Chipao recogiendo muestras



2. La muestra «Geisha Inca INCA12» de Julián Muriel; proviene del sector San Fernando, ubicado a dos horas en auto de los sectores donde se tomaron las otras muestras. Sus cerezas de café presentan un crecimiento distintivo “en forma de corona” en la base de la cereza, que parece ser único en el distrito de Incahuasi. Se trata de la mutación conocida como “Goyaba”; mutación que ocurre cuando tan solo uno de cada 40,000 genes muta.



Para el observador sin experiencia, la tabla de análisis genético apenas muestra ligeras variaciones, pero no las suficientes como para clasificarla por separado del grupo de seis muestras de Geisha Inka que provienen de Geisha T.02722 y un Bourbon. Sin embargo, podría ser interesante obtener más muestras de Geisha Inka de Julián y su hijo Jhon-William, así como otras muestras provenientes de sectores aledaños a San Fernando y Pacaypata.

AMERICANO - 3 muestras

Las muestras presentadas como «Americano» pertenecen al grupo de variedades Catimor, derivadas de cruces entre Caturra y el híbrido de Timor. Por el momento, no existen huellas genéticas de la población Americano en la extensa base de datos RD2. Las variedades Catimor y otras variedades introgresadas constituyen un grupo de variedades difícil de clasificar, por lo que se deberían tomar más muestras de la población Americano para obtener una huella genética precisa de esta variedad.



Jhenrry Chávez recogiendo muestras de su finca Huachaqpampa, en Hatumpampa

Lo que podemos concluir de los resultados es que una de las tres muestras de «Americano» no es del todo similar a las demás. La muestra INCA11, de Julián Muriel Palomino, parece derivarse de variedades genéticas ligeramente diferentes a las de las muestras INCA2 e INCA3; sin embargo, aún podemos considerarla parte del grupo Catimor. Una vez más, se deberían analizar más muestras para definir mejor esta población; pero la INCA11 es una muestra de Americano que se tomó del sector San Fernando, a dos horas en auto de los otros sectores del distrito de Inkawasi de donde se tomaron las muestras INCA2 e INCA3.

Dejando de lado por un momento el análisis genético, creo que es importante señalar que existen diferencias visuales claras entre los árboles de «Americano» y las variedades comunes de Catimor que se han vuelto tan comunes en Perú.

- Crecen mucho más alto y producen una mejor calidad de taza que otros Catimor del distrito, a menudo obteniendo puntuaciones más altas que los Typica y los Bourbon cultivados en las mismas condiciones.
- Se han convertido en plantas muy resistentes en las envidiables altitudes de Inkawasi, donde prosperan entre los 2000 y 2400msnm mientras que en estas alturas el Catimor común sucumbe a la enfermedad del «Ojo de Pollo» y está a punto de desaparecer.

*Árbol frondoso de Americano,
de la finca de Americo Palomino*



La historia del Americano es exclusiva de Inkawasi y podría guardar secretos para impulsar la producción de café en todo Perú; por esta razón, merece una mayor inversión en investigación.



Don Americo Palomino, principal cultivador del Americano, que lleva ese nombre en su honor

*English text by Justin Miles - Spanish translation by Rubén Romero.



Grabación del testimonio de Christophe Montagnon en Montpellier - junio 2026



Productores de Amaybamba, finca de la familia Huamán



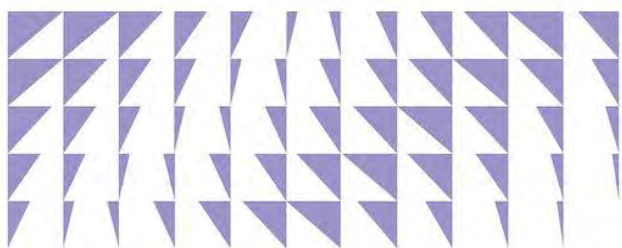
APU
Coffee Traceability Peru

Justin Miles
+49 17547 12346
justin@apucoffeeperu.com

Ruben Romero
+51 927 431 319
ruben@apucoffeeperu.com

www.apucoffeeperu.com
@apucoffeeperu

COFFEE COLLECTIVE



INCAYASI
Café que trasciende



RD2
vision



onoma
kaffee